

Inter - Analyse bio-informatique des séquences moléculaires : Optimisation et stratégies

Du 11 au 15 mars 2019

Objectifs	<p>À l'issue de cette formation, les participants seront capables :</p> <ul style="list-style-type: none"> • de s'appuyer sur des connaissances théoriques et pratiques leur permettant d'intégrer les outils de la bioinformatique à leur arsenal méthodologique et à leur mode de raisonnement • d'identifier les sujets de recherche pouvant bénéficier d'une telle approche • de développer des stratégies d'analyses combinatoires • de maîtriser les outils d'analyses et de comparaison de séquences moléculaires, d'en connaître les avantages et les limites • de comprendre l'implication du paramétrage sur les résultats obtenus
Public	Chercheurs, ingénieurs
Pré-requis	Connaissances en biologie moléculaire Aisance dans l'utilisation de l'ordinateur et d'Internet
Programme	<p>Rappels de biologie dans le cadre d'une approche bioinformatique</p> <p>Introduction à la bio-informatique (principes, avantages et limites de ces outils)</p> <ul style="list-style-type: none"> ▪ Le paramétrage, les matrices, les modèles utilisés ▪ Recherche d'informations dans les banques de séquences ▪ Les outils d'analyses de séquences nucléiques et protéiques ▪ Alignement local et global. Alignement de séquences 2 à 2, comparaison de séquences (BLAST, FASTA, BLAST 2 séquences, PSI et PHI BLAST) ▪ Alignement multiples (Clustal, Dialign, CAP....) ▪ Navigation dans des entrepôts de données, pertinence des informations (Ensembl, Entrez-Gene) ▪ Notions de « Gene ontology » et de « textmining » ▪ Introduction au NGS
Dates	Date : Du 11 au 15 mars 2019
Lieu	Inscription avant le 17 janvier 2019 sur : https://www.sirene.inserm.fr/ Lieu : Paris 13^e
Contact	<p>Nathalie SUZANNE Responsable formation</p> <p>nathalie.suzanne@inserm.fr Tél : 01 85 55 38 44</p> <p style="text-align: right;">INSERM DR Paris 11 Formation Continue 48-50 rue Albert 75640 Paris Cedex 13</p>