

Les Nouvelles générations de séquençage - NGS

Il s'agit d'appréhender des stratégies d'analyses de séquences issues de NGS. Cette formation ne s'adresse pas à des bio-informaticiens mais à du personnel de laboratoire qui souhaite avoir un regard critique sur des résultats d'alignement de séquences issus de données brutes.

Date & Horaire	Mercredi 10 avril 2019 – 8H45 à 17H30
Lieu	VWR International S.A.S. "Le Périgares " – bât. B, 201 rue Carnot – F-94126 Fontenay-sous-Bois
Public visé	La formation s'adresse aux personnels qui ont été initiés aux techniques de NGS qui maîtrisent déjà des concepts d'analyse moléculaire et aussi des bases de bioinformatique.
	La formation, sur un jour (7 heures) permets de présenter des stratégies d'analyses de séquences de Type DNA seq et RNA seq.
Programme	L'objectif est : De connaître et savoir sélectionner des modèles d'alignements complexes Comprendre une séquence d'ADN et de protéines Interrogation de bases de références Alignement de séquences dans les bases de données De comprendre et savoir utiliser les méthodes de maximum de vraisemblances dans la reconstruction d'arbre phylogénétiques Recherche de motifs De savoir utiliser le logiciel BEAST De Comprendre l'analyse multi-gènes et l'utilisation des super-arbres d'alignements
Formateur	Christian Siatka ,PhD Docteur en pharmacogénétique, biochimie biologie cellulaire et moléculaire DU de toxicologie clinique, DEA de Biologie Santé Ingénieur INSA en Biotechnologie – génie biomoléculaire Fonctions : Professeur associé à l'Université de Nîmes
Contact	Inscriptions Sur: www.sirene.inserm.fr avant le 15 mars 2019 Contact: Diane - VILLA Assistante Formation: diane.villa@inserm.fr 2, rue d'Alésia75014 PARIS - tél.: 01 40 78 49 11 Service Formation: formation.paris5@inserm.fr