

Initiation au séquençage haut débit

Inter régions - Distanciel

Public visé et objectif La formation s'adiconnaissances sur de séquences. Elle permet d'acquiliés à l'analyse de	08h45 - 17h00
Public visé et objectif La formation s'adiconnaissances sur de séquences. Elle permet d'acquiliés à l'analyse de	num
Public visé et objectif Connaissances sur de séquences. Elle permet d'acquiliés à l'analyse de	NAL - rue d'Aurion – Rosny-Sous-Bois
LES FONDAMENT Structure des génc Développement de NGS : NEXT GEN Evolution des tech NGS seconde gén - Chimie et artifices - Forces et faibless Roche, Thermo La technologie - NGS troisième gé - Pacific Bioscience Principe techni - NGS quatrième g Nanopore APRES-MIDI Traitements bioinfo Structure des gène - Structure des gène - Structure des gène	esse aux personnels qui souhaitent découvrir et/ou actualiser leurs les nouvelles générations de séquençage et l'exploitation de données érir les connaissances nécessaires pour mieux comprendre les aspects données brutes issues de séquençage haut débit
intergénique) - Stratégies d'étude - Systèmes d'anno - Classes fonctionr Bases de données	ERATION SEQUENCING niques de séquençage, utilité et perspectives ération : techniques de chaque technologie, Capacité de séquençage es Fisher Scientific, Illumina MiSEq ninération es que et chimique, Capacité et utilité énération ermatiques des données s et principe de l'annotation es eucaryotes e séquences (codant, non-codant, intron, exon, répété, es de polymorphismes SNP tation, Catalogues de gènes elles de gènes



	 Bases de données de séquences, Bases de données de génomes, Exemples d'assemblage de génomes et stratégie de mapping sur un génome.
Formateur	Christian Siatka, PhD - Professeur associé à l'Université de Nîmes – Administrateur de l'Ecole de l'ADN
Inscriptions	Sur https://www.sirene.inserm.fr/jetspeed/ Date limite d'inscription : 20 avril 2025
Contact	catherine.rogers@inserm.fr kamelia.brahami@inserm.fr