

Modélisation de la structure 3D des protéines à l'aide d'AlphaFold

Présentiel – Formation Inter régions

Dates & Horaire	26 mai 2025 --09h00 – 17h00
Effectif	10 personnes maximum
Lieu	Délégation Régionale Paris-IDF Centre Nord
Public visé	Chercheurs, Ingénieurs, Techniciens.
Objectifs	Comprendre l'intérêt de la modélisation moléculaire et dans quel contexte l'utiliser Analyser la structure 3D de biomolécules Maîtriser la création de modèle 3D avec ChimeraX Analyser la qualité d'un modèle 3D réalisé avec ChimeraX
Programme	Rappels de notions de bases sur la modélisation moléculaire Rappel sur la modélisation via AlphaFold Présentation et prise en main du logiciel ChimeraX Utilisation d'Alphafold via ChimeraX Compréhension des paramètres de modélisation (monomère, complexe, impact sur la qualité des modèles...) Comment analyser des modèles générés par AlphaFold Exercices d'application permettant de réaliser et d'analyser son 1er modèle de protéine Les différents développements autour d'AlphaFold
Formateur	Emmanuel Bettler – BioSciences
Inscriptions	Sur https://www.sirene.inserm.fr/jetspeed/ Date limite d'inscription : 06 mai 2025
Contact	Assistante Formation : kamelia.brahami@inserm.fr Chargée de formation : catherine.rogers@inserm.fr