

**Les nouvelles générations de séquençage (NGS) – Niveau initié***Inter régions - En présentiel*

<b>Dates &amp; Horaire</b>	<b>28 au 29 octobre 2025</b> – 09h00 – 17h00
<b>Effectif</b>	8 personnes maximum
<b>Lieu</b>	VWR INTERNATIONAL – Rosny-sous-Bois – Rue d'Estréau
<b>Public visé</b>	<p>La formation s'adresse aux personnels qui ont été initiés aux techniques de NGS, qui maîtrisent déjà des concepts d'analyse moléculaire et ayant des bases de bio-informatique.</p> <p>Il s'agit d'appréhender des stratégies d'analyses de séquences issues de NGS. Cette formation ne s'adresse pas à des bio-informaticiens mais à du personnel de laboratoire qui souhaite avoir un regard critique sur des résultats issus de données brutes NGS.</p>
<b>Programme</b>	<p>Tout le travail applicatif se fait en ligne après création d'un compte sur <a href="https://usegalaxy.org">https://usegalaxy.org</a></p> <p><b>JOUR 1 :</b></p> <ul style="list-style-type: none"><li>• Traitement de données issue de fichiers FASTQ</li><li>• Réaliser un contrôle de qualité des séquences</li><li>• Couper et optimiser la qualité des séquences</li><li>• Faire une analyse comparative de plusieurs fichiers FASTQ</li><li>• Alignement de séquences sur une séquence de référence</li></ul> <p><b>JOUR 2 :</b></p> <ul style="list-style-type: none"><li>• Analyse de données issues de RNAseq</li><li>• Adapter les séquences et les assembler</li><li>• Comprendre l'analyse multi-gènes</li><li>• Recherche de variants</li><li>• Quantification d'expressions</li></ul>
<b>Formateur</b>	<p>Christian SIATKA, PhD</p> <p>Fonctions : Professeur associé à l'Université de Nîmes, Administrateur et directeur à l'école de l'ADN</p>
<b>Inscriptions</b>	<p>Sur <a href="https://www.sirene.inserm.fr/jetspeed/">https://www.sirene.inserm.fr/jetspeed/</a></p> <p><b>Date limite d'inscription : 24 septembre 2025</b></p>
<b>Contact</b>	<p><a href="mailto:catherine.rogers@inserm.fr">catherine.rogers@inserm.fr</a></p> <p><a href="mailto:Kamelia.brahmi@inserm.fr">Kamelia.brahmi@inserm.fr</a></p>