

## La PCR quantitative : Principes, développement de méthodes et applications Module 2 - pour initiés

Formation Inter-régions – Présentiel

<b>Dates &amp; Horaire</b>	<b>21 au 23 octobre 2025</b> – 09h00 – 17h00
<b>Effectif</b>	7 personnes maximum
<b>Lieu</b>	VWR International – Bâtiment Estréo – 1-3 rue d'Aurion - 93110 Rosny-Sous-Bois
<b>Public visé</b>	La formation s'adresse aux personnels de structures qui pratiquent la technique de PCR quantitative, c'est une formation entre initiés qui souhaitent approfondir l'utilisation de la technologie.
<b>Programme</b>	<p><b>Première journée – Principe de la qPCR</b></p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Principe du choix des réactifs</li> <li>• Principe du phénomène de fluorescence</li> <li>• Choix des stratégies molécules et sondes fluorescentes</li> <li>• Qualité et validation de la qPCR</li> <li>• Choix de réactifs, validation de méthode</li> </ul> <p><b>Deuxième journée – Mises au point de qPCR et les applications</b></p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Optimisation, validation</li> <li>• Plan d'expérience</li> <li>• Stratégies de normalisation</li> <li>• Dilutions limites, standards externes/internes, PCR compétitive</li> <li>• Réalisation d'une quantification absolue, calibration et droite d'étalonnage</li> <li>• Organisation d'un laboratoire de PCR en temps réel</li> <li>• Conditions de travail</li> <li>• Mesure de l'expression d'ARN messager à l'aide la qPCR</li> <li>• Applications en biologie : expression relative</li> <li>• Validation de microarray et qPCR à haut débit</li> <li>• Applications en génomique : discrimination allélique</li> <li>• Analyse quantitative dans le monde bactérien et viral</li> <li>• Caractérisation fonctionnelle des gènes</li> </ul> <p><b>Troisième journée – Etudes de cas</b></p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Etude d'une gamme de calibration</li> <li>• Calculs de Ct et analyse différentielle de Ct</li> <li>• Mesures de l'efficacité</li> <li>• Réalisation d'une gamme de référence, calibration et droite d'étalonnage</li> <li>• Variante de la méthode des droites standard</li> <li>• Estimation de la spécificité d'amplification, analyse de sa fonction dérivée</li> <li>• Génotypage par HRM</li> <li>• Les courbes de fusion haute résolution, fusion de sondes et fusion de sondes non marquées</li> <li>• La qPCR digitale en support solide ou en émulsion</li> <li>• La qPCR digitale spectre de son application</li> </ul>

<b>Formateur</b>	Stéphane THEULIER Ingénieur Projets – Ecole de l'ADN - Nîmes
<b>Inscription</b>	Via l'application SIRENE à l'adresse suivante : <a href="https://www.sirene.inserm.fr/jetspeed/">https://www.sirene.inserm.fr/jetspeed/</a> <b>Date limite d'inscription : 21 septembre 2025</b>
<b>Contact</b>	<a href="mailto:kamelia.brahami@inserm.fr">kamelia.brahami@inserm.fr</a> <a href="mailto:catherine.rogers@inserm.fr">catherine.rogers@inserm.fr</a>