

Initiation au séquençage haut débit

Inter régions - Distanciel

Dates & Horaire	30 MARS 2026 - 08h45 - 17h00
Effectif	8 personnes maximum
Lieu	VWR INTERNATIONAL - rue d'Aurion – Rosny-Sous-Bois
Public visé et objectif	<p>La formation s'adresse aux personnels qui souhaitent découvrir et/ou actualiser leurs connaissances sur les nouvelles générations de séquençage et l'exploitation de données de séquences.</p> <p>Elle permet d'acquérir les connaissances nécessaires pour mieux comprendre les aspects liés à l'analyse de données brutes issues de séquençage haut débit</p>
Programme	<p>MATIN</p> <p>LES FONDAMENTAUX DE GENOMIQUE :</p> <p>Structure des génomes</p> <p>Développement des marqueurs basés sur des séquences</p> <p>NGS : NEXT GENERATION SEQUENCING</p> <p>Evolution des techniques de séquençage, utilité et perspectives</p> <p>NGS seconde génération :</p> <ul style="list-style-type: none"> - Chimie et artifices techniques de chaque technologie, Capacité de séquençage - Forces et faiblesses <ul style="list-style-type: none"> Roche, Thermo Fisher Scientific, Illumina La technologie MiSeq - NGS troisième génération - Pacific Biosciences <ul style="list-style-type: none"> Principe technique et chimique, Capacité et utilité - NGS quatrième génération <ul style="list-style-type: none"> Nanopore <p>APRES-MIDI</p> <p>Traitements bioinformatiques des données</p> <p>Structure des gènes et principe de l'annotation</p> <ul style="list-style-type: none"> - Structure des gènes eucaryotes - Polymorphisme de séquences (codant, non-codant, intron, exon, répété, intergénique...) - Stratégies d'études de polymorphismes SNP - Systèmes d'annotation, Catalogues de gènes - Classes fonctionnelles de gènes <p>Bases de données de séquence</p> <ul style="list-style-type: none"> - Les standards (séquences et informations fonctionnelles)

	<ul style="list-style-type: none">- Bases de données de séquences,- Bases de données de génomes,- Exemples d'assemblage de génomes et stratégie de mapping sur un génome.
Formateur	Christian Siatka, PhD - Professeur associé à l'Université de Nîmes – Administrateur de l'Ecole de l'ADN
Inscriptions	Sur https://www.sirene.inserm.fr/jetspeed/ Date limite d'inscription : 13 FEVRIER 2026
Contact	catherine.rogers@inserm.fr kamelia.brahmi@inserm.fr